生物情報工学　*Bioinformatics*

2
文献データベースと特許データベース

出席確認・課題提出

NUCTにログイン

↓

生物情報工学(2018年度）

↓

課題一覧から選択

「出席確認」は席に着いたらすぐに送信（9時まで）

「リソース」に資料のPDFファイルがあります。

http://www.agr.nagoya-u.ac.jp/~bioinfo/

にアクセスする。
（ブックマークしておくこと）

授業で使うwebsiteのリンク集があります。

検索エンジンをつかう

- まずはなじみのある検索　Googleから
- http://www.google.co.jp/

演習1

- pUC19（クローニングベクター）を検索しよう
- 複数のワードを入れて絞り込みをしよう

  例：pUC19 cloning vector

検索結果

検索結果の数

検索結果
- ページタイトル
- ページのサマリ
- ページのURL

検索されたpageを開いてみる（1）

Clontech TaKaRa cellartis

that's GOOD science!

バイオ産業支援 TOP | ウェブカタログ | 受託サービス | お知らせ | お問い合わせ | WEB会員登録 | ログイン | English

クイック検索 [検索] ◉製品検索（製品コード、製品名、メーカー略称） ○サイト内検索（キーワード） 検索について

TOP > ウェブカタログ > cDNA合成・クローニング > Vector（クローニング用） > pUC18/19 タイプベクター

pUC18/19 タイプベクター

カタログの見方

メーカー略称	製品コード	TaKaRa Code	製品名	容量	価格（税別）	特記事項	説明書 データシート ベクター情報	参考資料
TKR	3218	3218	pUC18 DNA	25 μg	¥15,000	プレゼントキャンペーン実施中！		
TKR	3219	3219	pUC19 DNA	25 μg	¥15,000	プレゼントキャンペーン実施中！		
TKR	3298	3298	pHSG298 DNA	25 μg	¥25,000	プレゼントキャンペーン実施中！		
TKR	3299	3299	pHSG299 DNA	25 μg	¥25,000	プレゼントキャンペーン実施中！		
TKR	3396	3396	pHSG396 DNA	25 μg	¥25,000	プレゼントキャンペーン実施中！		
TKR	3398	3398	pHSG398 DNA	25 μg	¥25,000	プレゼントキャンペーン実施中！		

pUC18/19タイプベクター概要

pUC18/pUC19は、dideoxy法によるDNAシーケンシングに適したプラスミドベクターで、選択マーカーとしてアンピシリン耐性をもち、M13ファージベクターに比べて大きなDNA断片をクローニングすることができる。*lacZ*領域にマルチクローニングサイトを持っており、IPTGとX-Galを含むプレートで、外来DNAの挿入の有無を容易に判別できる。さらに、*lac*プロモーターを利用した外来遺伝子の発現も可能である。
DNAシーケンシングには、M13 Primersを利用するのが便利である。また、Kilo-Sequence用Deletion Kit（製品コー

関連情報

関連製品・受託

- pUC118/119 タイプベクター
- M13 Primers

検索されたpageを開いてみる（2）

ニッポン・ジーン

ホーム | 会社概要 | 採用情報 | お問い合わせ | ENGLISH | 検索

遺伝子工学研究用試薬トップ | 製品情報 | 製品一覧・SDS | キャンペーン

pUC19 DNA

クローニングベクター

品名	Code No.	包装単位	価格	備考
pUC19 DNA	311-01004	15 μg	9,000円	
pUC19 DNA	317-01006	15 μg x 5	36,000円	

製造元　（株）ニッポンジーン　　表示価格は希望納入価格 (税別) です。

製品説明 | 製品内容 | 使用例 | Q & A | 資料 Data Sheet | 関連情報 | 問い合わせ先

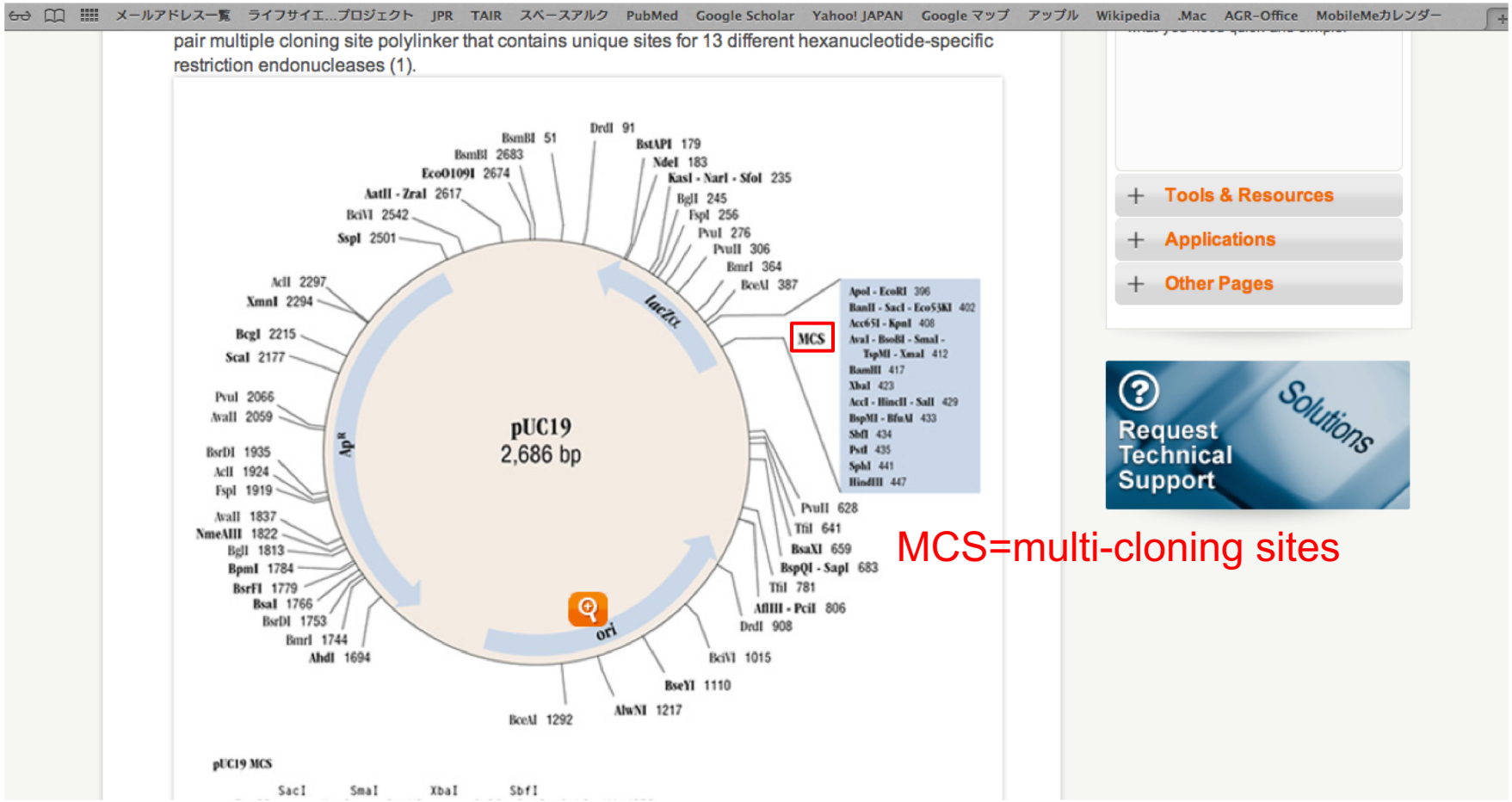
製品説明

pUC19 DNA は、マルチクローニングサイトを持つベクターです。
下図は、pUC19 DNA を切断する制限酵素を示します（mapはこちら）。制限酵素名の後の数字は、5´...TCGCGCGTTT...3´の最初のT を1として、その位置から制限酵素の切断部位までの数を表し、（　）内の数字は、その制限酵素の切断数を示しています。

起源	Plasmid pUC19 を保持した*E. coli* JM109
M.W.	1.75 x 10^6 Da（2,686 bp）
試薬の調製	Plasmid pUC19 を保持した*E. coli* JM109 より臭化エチジウム一塩化セシウム密度勾配遠心によって分離した。
形状	10 mmol/l Tris-HCl（pH 8.0）, 1 mmol/l EDTA
濃度	0.2 ～ 0.8 μg/μl
純度	A_{260}/A_{280}≒1.8（この値はlotにより多少異なる）

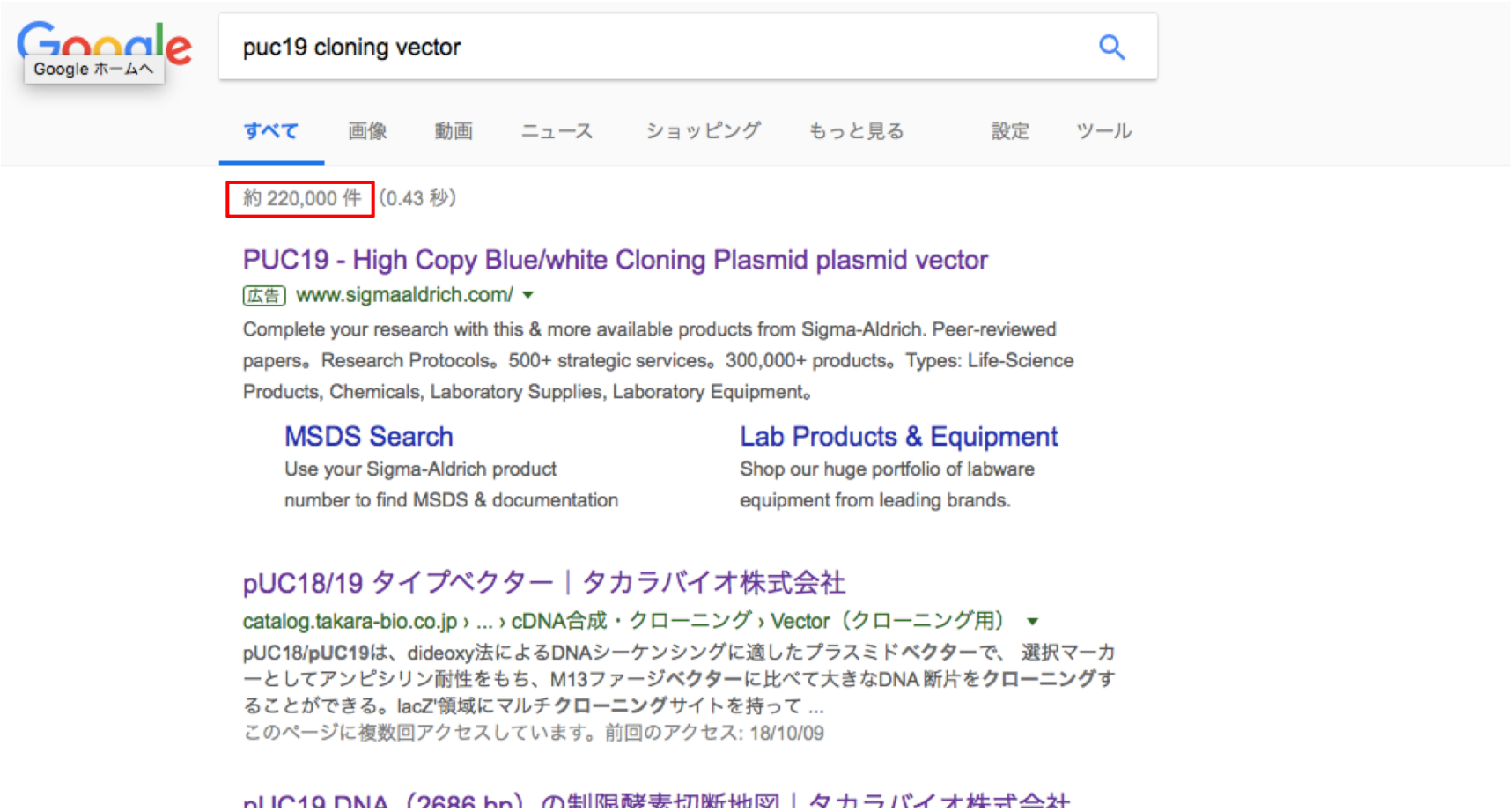
スクロールすると制限酵素地図が見える

検索されたpageを開いてみる（3）



スクロールするとMCSの配列も見える

複数のワードをいれて検索



“pUC19”, “cloning”, “vector”という3つのワードを同時に含むwebsiteを検索

演習2

- 発展課題（つぎのオプションを使おう）
  - フレーズで検索 (検索ノイズを減らす）
    - ”　　”　で囲む　例　"pUC19 restriction map"
  - ヒットしてほしくないキーワードの前に
    - - をつける　例　-pUC18
  - ファイルタイプを指定する
    - 例　filetype:ppt　（パワーポイントファイルだけを選ぶ）
    - 例　filetype:pdf　(pdfファイルだけを選ぶ）

フレーズ検索による絞り込み

Google

puc19 restriction map　フレーズ検索しない場合

すべて　画像　ニュース　地図　動画　もっと見る　設定　ツール

約 137,000 件 （0.35 秒）

ヒント: 日本語の検索結果のみ表示します。検索言語は [表示設定] で指定できます。

pUC19 Sequence and Map - SnapGene

www.snapgene.com/resources/plasmid_files/...plasmids/pUC19/ ▾ このページを訳す

Standard E. coli vector with a multiple cloning site (MCS) for DNA cloning.

Google

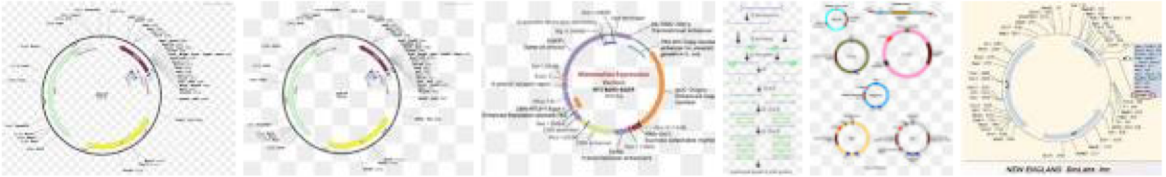
"puc19 restriction map"　フレーズ検索した場合

すべて　画像　ニュース　地図　動画　もっと見る　設定　ツール

約 97 件 （0.23 秒）

ヒント: 日本語の検索結果のみ表示します。検索言語は [表示設定] で指定できます。

"puc19 restriction map" の画像検索結果



検索オプションを使うと便利

Google　ログイン

検索オプション

検索するキーワード

検索ボックスを使用して同様の検索を行うには

すべてのキーワードを含む:	puc19	重要なキーワードを入力します（例: テリア トライカラー）
語順も含め完全一致:		検索対象と完全に一致するキーワードを二重引用符で囲んで入力します（例: "ヨークシャー テリア"）
いずれかのキーワードを含む:		キーワードとキーワードの間に OR を挿入します（例: 小型 OR 中型）
含めないキーワード:		検索から除外するキーワードの先頭にマイナス記号（-）を付けます（例: -紅茶、-"ジャック ラッセル"）
数値の範囲:	～	2 つの数値の間にピリオドを 2 つ挿入し、単位を付記します（例: 5..15 kg、$300..$500、2010..2011）

検索結果の絞り込み

言語:	すべての言語	検索対象とするページの言語を選択します。
地域:	すべての地域	特定の地域に属するページのみを検索対象にします。
最終更新:	指定なし	最終更新日時が指定の範囲に該当するページを検索対象にします。
サイトまたはドメイン:		検索範囲として、特定のサイト（ wikipedia.org など）またはドメイン（.edu、.org、.gov など）を指定します。
検索対象の範囲:	ページ全体	検索対象として、ページ全体、ページ タイトル、URL、目的のページへのリンクのいずれかを指定します。
セーフサーチ:	フィルタリングなし　中　強	どの程度までの性的コンテンツを、セーフサーチ によるフィルタリングの対象とするかを指定します。
ファイル形式	すべての形式	検索対象とするページのファイル形式を指定します。
ライセンス:	ライセンスでフィルタリングしない	自由に使用できるページを検索対象にします。

詳細検索

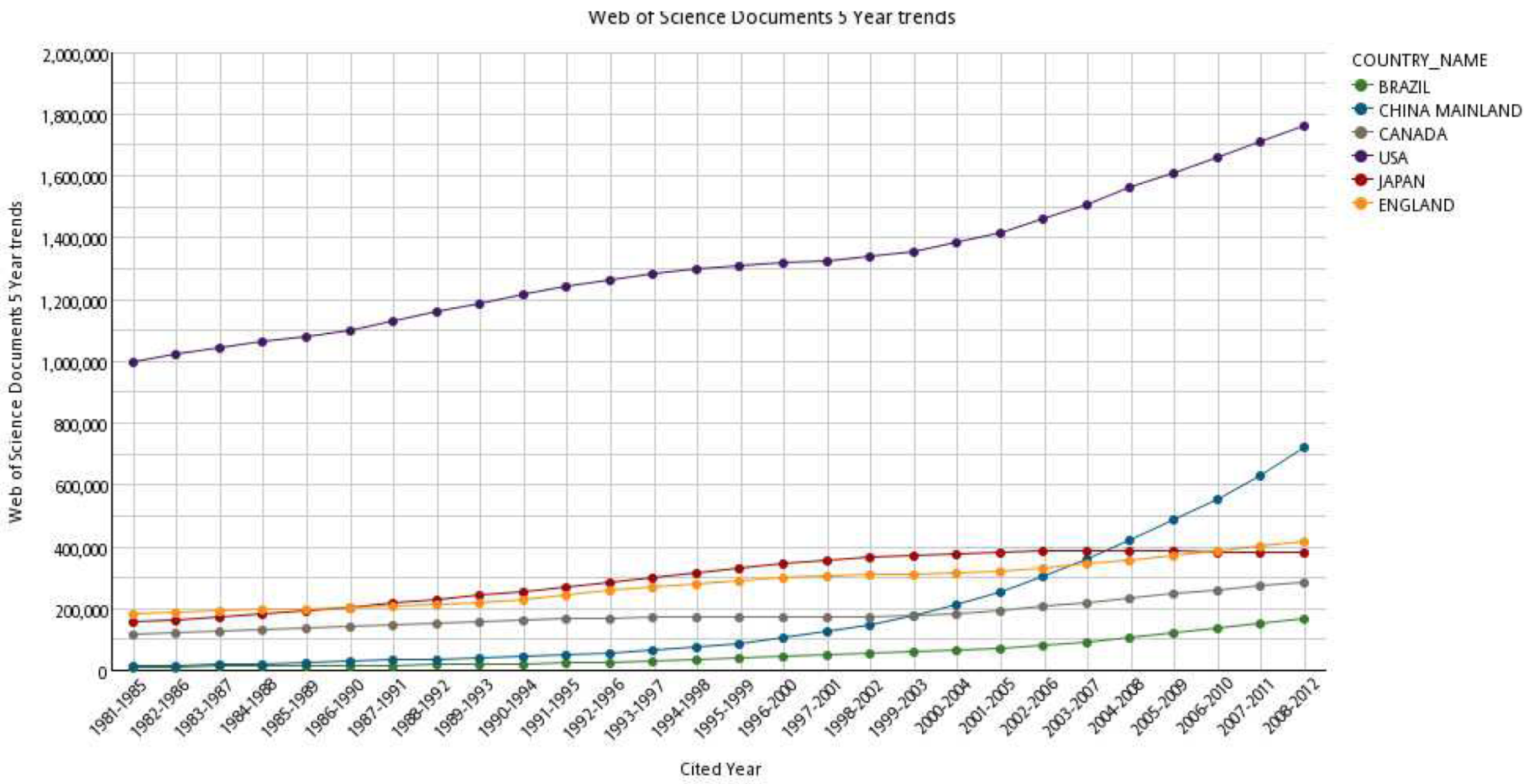
pUC19の情報をさがせ

```
LOCUS       pUC19                    2686 bp    DNA     circular     18-OCT-2007
DEFINITION  Cloning vector pUC19, complete sequence.
ACCESSION
VERSION
KEYWORDS    .
SOURCE      Cloning vector pUC19
  ORGANISM  Cloning vector pUC19
            other sequences; artificial sequences; vectors.
REFERENCE   1  (bases 1 to 2686)
  AUTHORS   New England Biolabs.
  TITLE     Direct Submission
  JOURNAL   Submitted (18-OCT-2007) Research Department, New England Biolabs,
            240 County Road, Ipswich, MA 01938, USA
COMMENT     See also GenBank accession L09137.
FEATURES             Location/Qualifiers
     source          1..2686
                     /organism="Cloning vector pUC19"
                     /mol_type="other DNA"
     gene            complement(146..469)
                     /gene="lacZalpha"
     CDS             complement(146..469)
                     /gene="lacZalpha"
                     /codon_start=1
                     /product="beta-galactosidase alpha fragment"
                     /translation="MTMITPSLHACRSTLEDPRVPSSNSLAVVLQRRDWENPGVTQLN
                     RLAAHPPFASWRNSEEARTDRPSQQLRSLNGEWRLMRYFLLTHLCGISHRIWCTLSTI
                     CSDAA"
     misc_feature    396..452
                     /gene="lacZalpha"
                     /note="multiple cloning site (EcoRI-HindIII)"
```

課題
(講義2　課題1)

- NUCTの課題一覧から「講義2　課題1」を選択
- pUC19の全塩基配列と配列長（塩基数）を調べ、提出。

主要国の論文数の推移


Web of Science Documents 5 Year trends
Web of Science Documents 5 Year trends
2,000,000
1,800,000
1,600,000
1,400,000
1,200,000
1,000,000
800,000
600,000
400,000
200,000
0
1981-1985
1982-1986
1983-1987
1984-1988
1985-1989
1986-1990
1987-1991
1988-1992
1989-1993
1990-1994
1991-1995
1992-1996
1993-1997
1994-1998
1995-1999
1996-2000
1997-2001
1998-2002
1999-2003
2000-2004
2001-2005
2002-2006
2003-2007
2004-2008
2005-2009
2006-2010
2007-2011
2008-2012
Cited Year
COUNTRY_NAME
BRAZIL
CHINA MAINLAND
CANADA
USA
JAPAN
ENGLAND

主要な文献検索サイト

・Google Scholar
　Googleの提供する検索サービス
　論文、学術誌、出版物
　ジャンルを問わない・ 日本語の文献も検索できる
　論文の全文が検索の対象
　被引用数、引用している論文などの情報も得られる

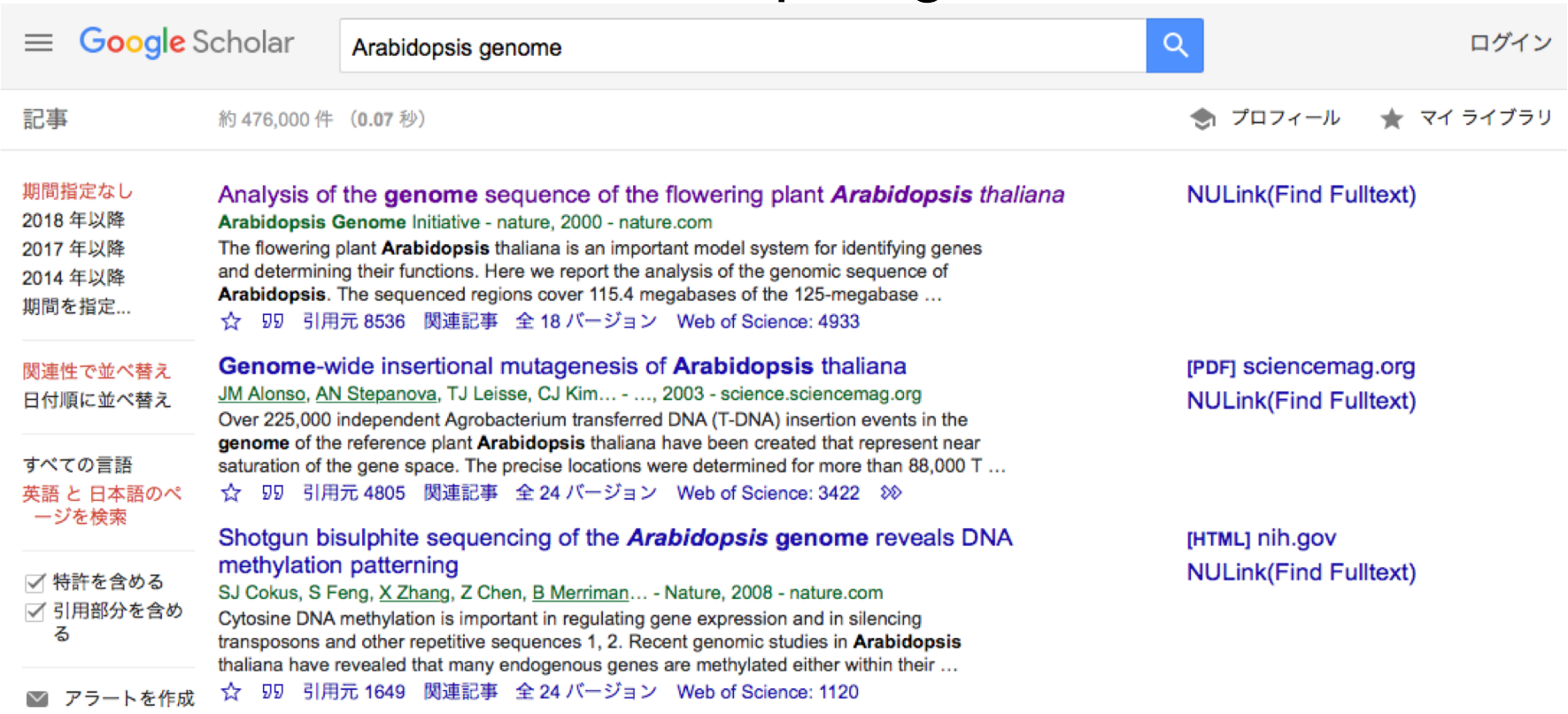
・PubMed
　国立生物工学情報センター(NCBI)が運営
　医学・生物学分野の学術文献
　英語の文献のみが対象
　論文のアブストラクトとタイトルが検索の対象
　被引用数などのデータはない
　情報が整理されていて使いやすい

論文検索Google Scholarを使う

http://scholar.google.co.jp/

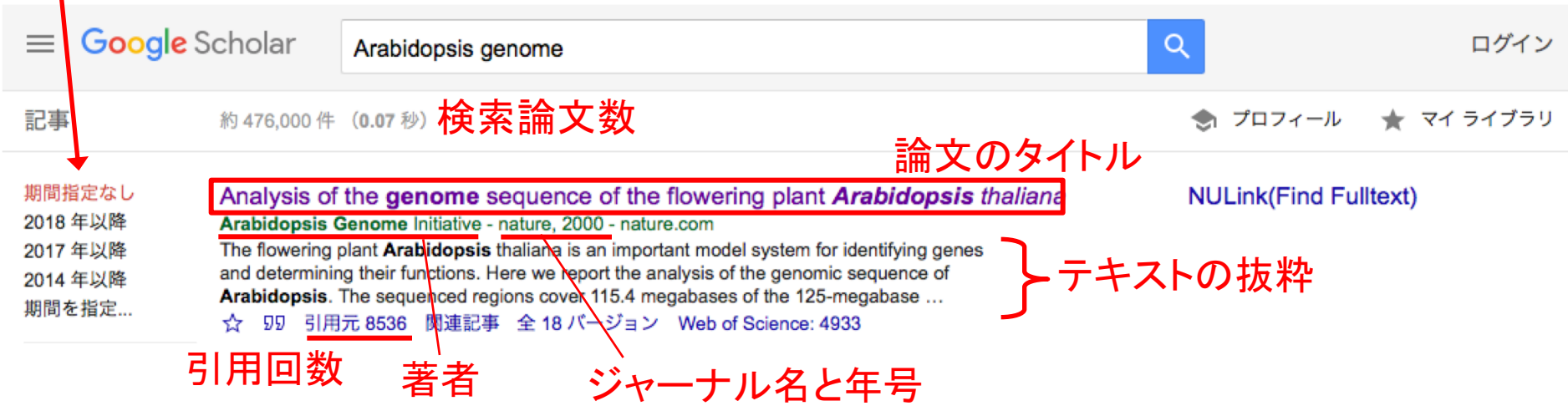
演習3

- 実際に論文を検索してみよう
- 例　キーワード　Arabidopsis genome



演習3

論文の年号を指定する場合



検索論文数

論文のタイトル

テキストの抜粋

引用回数

著者

ジャーナル名と年号

サーチワードがハイライトされて表示される

検索された論文を閲覧する

nature

Special | Published: 14 December 2000

Analysis of the genome sequence of the flowering plant *Arabidopsis thaliana*

論文のタイトル

著者

The Arabidopsis Genome Initiative

Nature **408**, 796–815 (14 December 2000) | Download Citation

Abstract

要旨

The flowering plant *Arabidopsis thaliana* is an important model system for identifying genes and determining their functions. Here we report the analysis of the genomic sequence of *Arabidopsis*. The sequenced regions cover 115.4 megabases of the 125-megabase genome and extend into centromeric regions. The evolution of *Arabidopsis* involved a whole-genome duplication, followed by subsequent gene loss and extensive local gene duplications, giving rise to a dynamic genome enriched by lateral gene transfer from a cyanobacterial-like ancestor of the plastid. The genome contains 25,498 genes encoding proteins from 11,000 families, similar to the functional diversity of *Drosophila* and *Caenorhabditis elegans*– the other sequenced multicellular eukaryotes. *Arabidopsis* has many families of new proteins but also lacks several common protein families, indicating that the sets of common proteins have undergone differential expansion and contraction in the three multicellular eukaryotes. This is the first complete genome sequence of a plant and provides the foundations for more comprehensive comparison of conserved processes in all eukaryotes, identifying a wide range of plant-specific gene functions and establishing rapid systematic ways to identify genes for crop improvement.

Download PDF

81
Altmetric | Article metrics »

Associated Content

Collection
40 years of Sanger sequencing

Sections | Figures | References

PDFファイルをダウンロードする

articles

Analysis of the genome sequence of the flowering plant *Arabidopsis thaliana*

The Arabidopsis Genome Initiative*

* *Authorship of this paper should be cited as 'The Arabidopsis Genome Iniative'. A full list of contributors appears at the end of this paper*

The flowering plant *Arabidopsis thaliana* is an important model system for identifying genes and determining their functions. Here we report the analysis of the genomic sequence of *Arabidopsis*. The sequenced regions cover 115.4 megabases of the 125-megabase genome and extend into centromeric regions. The evolution of *Arabidopsis* involved a whole-genome duplication, followed by subsequent gene loss and extensive local gene duplications, giving rise to a dynamic genome enriched by lateral gene transfer from a cyanobacterial-like ancestor of the plastid. The genome contains 25,498 genes encoding proteins from 11,000 families, similar to the functional diversity of *Drosophila* and *Caenorhabditis elegans*— the other sequenced multicellular eukaryotes. *Arabidopsis* has many families of new proteins but also lacks several common protein families, indicating that the sets of common proteins have undergone differential expansion and contraction in the three multicellular eukaryotes. This is the first complete genome sequence of a plant and provides the foundations for more comprehensive comparison of conserved processes in all eukaryotes, identifying a wide range of plant-specific gene functions and establishing rapid systematic ways to identify genes for crop improvement.

The plant and animal kingdoms evolved independently from unicellular eukaryotes and represent highly contrasting life forms. The genome sequences of *C. elegans*[1] and *Drosophila*[2] reveal that metazoans share a great deal of genetic information required for

biologists, but will also affect agricultural science, evolutionary biology, bioinformatics, combinatorial chemistry, functional and comparative genomics, and molecular medicine.

演習4

- 日本語のキーワードだって検索できる。
- 日本語の文献も。
- 例１:　ジベレリン（gibberellin)に関する文献
- 例２:　シロイヌナズナ（日本語）を含む文献

Advanced searchによる絞り込み(1)

Advanced searchによる絞り込み(2)

Google Scholar

例　gibberellin -Arabidopsis

課題
(講義2　課題2)

- NUCTの課題一覧から「講義2　課題2」を選択

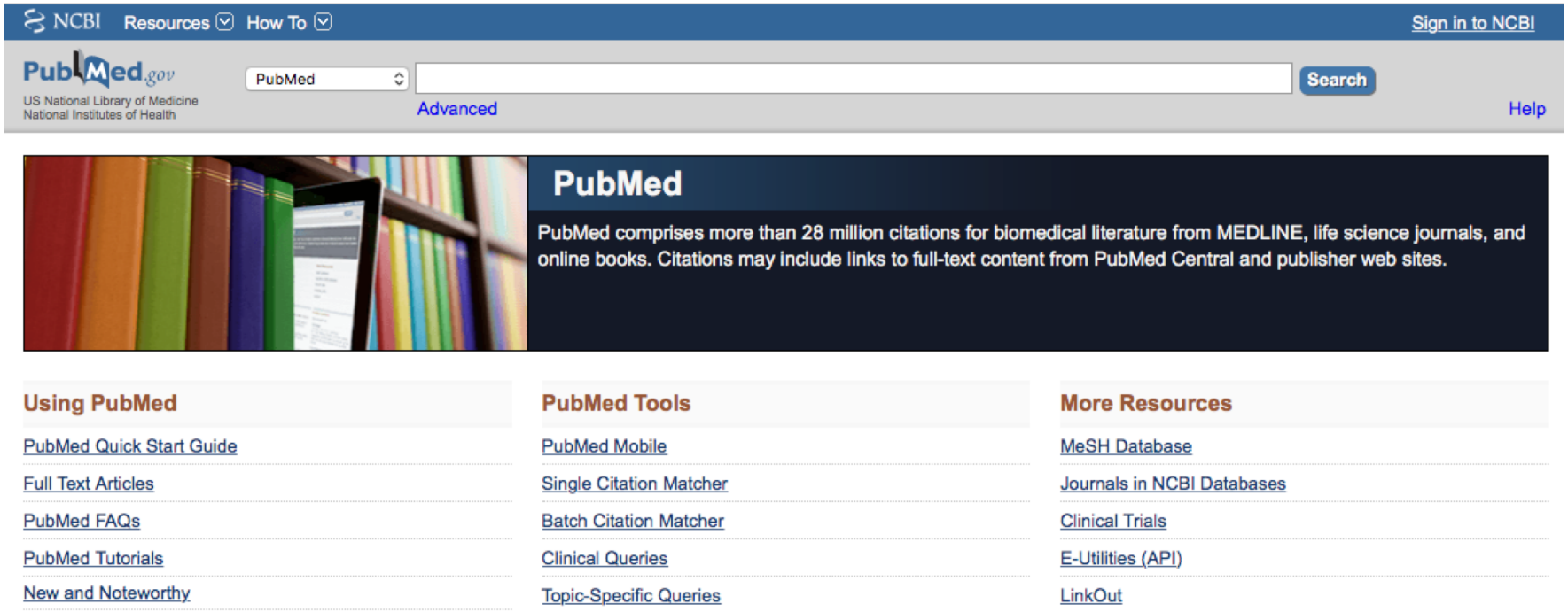
- Google ScholarのAdvanced Searchを使って以下の論文を検索し、タイトルと第一著者名（フルネーム）を提出

  2005年にNatureに掲載された論文で、ジベレリンの研究に関するもの

PubMedを使おう！！

- アメリカ国立医学図書館の国立生物工学情報センター(NCBI)が運営する医学・生物学分野の学術文献検索サービス。

https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/



演習4：実際に検索しよう

例）シロイヌナズナ、オーキシン、細胞分裂に関連する論文

NCBI Resources How To Sign in to NCBI

PubMed.gov
US National Library of Medicine
National Institutes of Health

PubMed | arabidopsis | Search

Create RSS Create alert Advanced Help

Article types
Clinical Trial
Review
Customize ...

Text availability
Abstract
Free full text
Full text

Publication dates
5 years
10 years
Custom range...

Species
Humans
Other Animals

Clear all

Show additional filters

Format: Summary **Sort by**: Most Recent **Per page**: 20 **Send to**

Filters: Manage Filters

Sort by: Best match | Most recent

Search results

Items: 1 to 20 of 66959

<< First < Prev Page 1 of 3348 Next > Last >>

1. Actin Polymerization Mediated by AtFH5 Directs the Polarity Establishment and Vesicle Trafficking for Pollen Germination in **Arabidopsis**.
   Liu C, Zhang Y, Ren H.
   Mol Plant. 2018 Oct 5. pii: S1674-2052(18)30299-5. doi: 10.1016/j.molp.2018.09.004. [Epub ahead of print]
   PMID: 30296598
   Similar articles

2. Reactive oxygen species mediate conical cell shaping in **Arabidopsis** thaliana petals.
   Dang X, Yu P, Li Y, Yang Y, Zhang Y, Ren H, Chen B, Lin D.
   PLoS Genet. 2018 Oct 8;14(10):e1007705. doi: 10.1371/journal.pgen.1007705. [Epub ahead of print]
   PMID: 30296269
   Similar articles

3. PHYTOCHROME INTERACTING FACTOR1 interactions leading to the completion or prolongation of seed germination.
   Dirk LMA, Kumar S, Majee M, Downie AB.
   Plant Signal Behav. 2018 Oct 8:1-9. doi: 10.1080/15592324.2018.1525999. [Epub ahead of print]
   PMID: 30296201
   Similar articles

Results by year

Download CSV

Related searches
arabidopsis thaliana
stress **arabidopsis**
acetylation **arabidopsis**
cytokinin **arabidopsis**
gravitropism **arabidopsis**

演習4：実際に検索しよう

例）シロイヌナズナ、オーキシン、細胞分裂に関連する論文

NCBI Resources How To Sign in to NCBI

PubMed.gov
US National Library of Medicine
National Institutes of Health

PubMed | arabidopsis auxin "cell division" | Search

Create RSS Create alert Advanced Help

Article types
Clinical Trial
Review
Customize ...

Text availability
Abstract
Free full text
Full text

Publication dates
5 years
10 years
Custom range...

Species
Humans
Other Animals

Clear all

Show additional filters

Format: Summary **Sort by:** Most Recent **Per page:** 20 **Send to**

Filters: Manage Filters

Sort by:
Best match | Most recent

Search results

Items: 1 to 20 of 414

<< First < Prev Page 1 of 21 Next > Last >>

1. MEDIATOR 18 influences **Arabidopsis** root architecture, represses **auxin** signaling and is a critical factor for cell viability in root meristems.
   Raya-González J, Oropeza-Aburto A, López-Bucio JS, Guevara-García AÁ, de Veylder L, López-Bucio J, Herrera-Estrella L.
   Plant J. 2018 Oct 1. doi: 10.1111/tpj.14114. [Epub ahead of print]
   PMID: 30270572
   Similar articles

2. A Plausible Microtubule-Based Mechanism for **Cell Division** Orientation in Plant Embryogenesis.
   Chakrabortty B, Willemsen V, de Zeeuw T, Liao CY, Weijers D, Mulder B, Scheres B.
   Curr Biol. 2018 Sep 13. pii: S0960-9822(18)30924-2. doi: 10.1016/j.cub.2018.07.025. [Epub ahead of print]
   PMID: 30245102 **Free Article**
   Similar articles

3. The Microtubule-Associated Protein CLASP Sustains Cell Proliferation through a Brassinosteroid Signaling Negative Feedback Loop.
   Ruan Y, Halat LS, Khan D, Jancowski S, Ambrose C, Belmonte MF, Wasteneys GO.
   Curr Biol. 2018 Sep 10;28(17):2718-2729.e5. doi: 10.1016/j.cub.2018.06.048. Epub 2018 Aug 23.
   PMID: 30146155
   Similar articles

4. The RAF-like mitogen-activated protein kinase kinase kinases RAF22 and RAF28 are required for the regulation of embryogenesis in **Arabidopsis**.
   Wang B, Liu G, Zhang J, Li Y, Yang H, Ren D.
   Plant J. 2018 Aug 12. doi: 10.1111/tpj.14063. [Epub ahead of print]

Results by year

Download CSV

PMC Images search for *arabidopsis auxin "cell division"*

See more (121)...

検索された論文を閲覧する(1)

NCBI Resources How To Sign in to NCBI

PubMed.gov
US National Library of Medicine
National Institutes of Health

PubMed Search
Advanced Help

Format: Abstract Send to

Curr Biol. 2018 Sep 13. pii: S0960-9822(18)30924-2. doi: 10.1016/j.cub.2018.07.025. [Epub ahead of print]

A Plausible Microtubule-Based Mechanism for Cell Division Orientation in Plant Embryogenesis.

Chakrabortty B[1], Willemsen V[2], de Zeeuw T[3], Liao CY[3], Weijers D[3], Mulder B[4], Scheres B[5].

Author information

Abstract

Oriented cell divisions are significant in plant morphogenesis because plant cells are embedded in cell walls and cannot relocate. Cell divisions follow various regular orientations, but the underlying mechanisms have not been clarified. We propose that cell-shape-dependent self-organization of cortical microtubule arrays is able to provide a mechanism for determining planes of early tissue-generating divisions and may form the basis for robust control of cell division orientation in the embryo. To show this, we simulate microtubules on actual cell surface shapes, from which we derive a minimal set of three rules for proper array orientation. The first rule captures the effects of cell shape alone on microtubule organization, the second rule describes the regulation of microtubule stability at cell edges, and the third rule includes the differential effect of auxin on local microtubule stability. These rules generate early embryonic division plane orientations and potentially offer a framework for understanding patterned cell divisions in plant morphogenesis.

KEYWORDS: arabidopsis; auxin; cell shape; computational modeling; cytokinesis; division orientation; embryogenesis; microtubules; systems biology

PMID: 30245102 DOI: 10.1016/j.cub.2018.07.025

Full text links

CellPress OPEN ACCESS

Save items

Similar articles

A computational framework for cortical microtubule dyn [PLoS Comput Biol. 2018]

A role for katanin in plant cell division: microtubul [Cytoskeleton (Hoboken). 2011]

A PLETHORA-auxin transcription module controls cell division plane rota [Cell. 2012]

Review Formative cell divisions: principal determinants of p [Plant Cell Physiol. 2013]

Review Universal rules for division plane selection in plants. [Protoplasma. 2012]

See reviews...

See all...

検索された論文を閲覧する(2)

Download PDF　Export　Search ScienceDirec　Advanced

Current Biology
Volume 28, Issue 19, 8 October 2018, Pages 3031-3043.e2

Article

A Plausible Microtubule-Based Mechanism for Cell Division Orientation in Plant Embryogenesis

Bandan Chakrabortty [1, 2], Viola Willemsen [1, 5], Thijs de Zeeuw [4, 5], Che-Yang Liao [4], Dolf Weijers [4], Bela Mulder [2, 3], Ben Scheres [1, 6]

Show more

https://doi.org/10.1016/j.cub.2018.07.025

Get rights and content

Highlights

- Cortical microtubule dynamics is simulated
  extracted cell shapes
- Cell geometry, edge effects, and developm

Recommended articles

A plane choice: coordinating timing and ori…
Current Opinion in Plant Biology, Volume 47, 2…
Download PDF　View details

SHOU4 Proteins Regulate Trafficking of Ce…
Current Biology, Volume 28, Issue 19, 2018, p…
Download PDF　View details

The Microtubule-Associated Protein CLAS…
Current Biology, Volume 28, Issue 17, 2018, p…
Download PDF　View details

1　2　Next

Citing articles (0)

Article Metrics

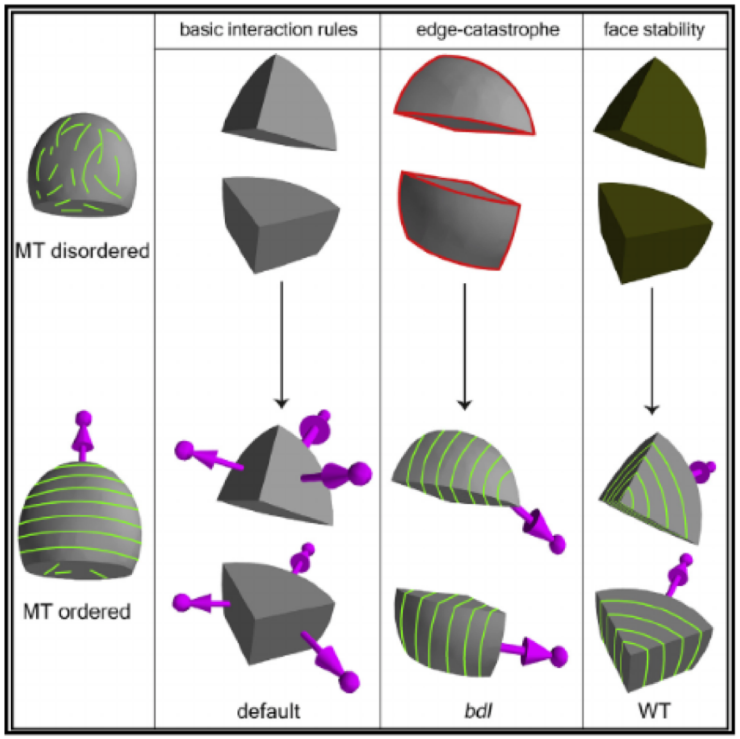
検索された論文を閲覧する(3)

Article

Current Biology

A Plausible Microtubule-Based Mechanism for Cell Division Orientation in Plant Embryogenesis

Graphical Abstract



Authors

Bandan Chakrabortty, Viola Willemsen, Thijs de Zeeuw, Che-Yang Liao, Dolf Weijers, Bela Mulder, Ben Scheres

Correspondence

mulder@amolf.nl (B.M.),
ben.scheres@wur.nl (B.S.)

In Brief

Chakrabortty et al. show that a computational model for dynamic self-organization of cortical microtubules on experimentally extracted cell shapes provides a plausible molecular mechanism for division plane orientation in the first four divisions of early stage *A. thaliana* embryos, in WT as well as two developmental mutants *bodenlos* and *clasp*.

Highlights

- Cortical microtubule dynamics is simulated on

Feedback

発展課題

- 論理演算が使える（AND, OR, NOT）
  - 例： E. coli OR Bacillus (AまたはBで検索）
- フレーズ検索
  - 例えば"escherichia coli K12"といれると語順がこのとおりのものが選ばれる。
  - しかし、フレーズ検索できる言葉はMeSH(Medical Subject Headings)と呼ばれるNLMが作成した語彙の中に存在するフレーズのみ

課題
(講義2　課題3)

- NUCTの課題一覧から「講義2　課題3」を選択

- 「シロイヌナズナにおける気孔の開閉」に関する論文を検索し、重要と思われる論文を選出せよ（全文が読める英語の論文）。著者名、論文名、雑誌名、巻、ページ（開始と終わり）、発表年を明記し（書式を整えること）、論文のPDFファイルを添付する。

日本の特許データベース

- 特許電子図書館：IPDL
- 特許庁に出願後、公開・登録された特許を検索、閲覧できる。
- 特許情報プラットホーム
- https://www.j-platpat.inpit.go.jp/web/all/top/BTmTopPage

特許、実用新案検索を選択

特許、実用新案をキーワードで検索

例えば、「植物・成長制御」

特許・実用新案　意匠　商標　審判　経過情報

トップページ ＞ 特許・実用新案 ＞ 特許・実用新案検索

特許・実用新案検索　前画面へ戻る　？ヘルプ

入力画面 → 結果一覧 → 詳細表示

検索結果一覧

国内文献　外国文献　非特許文献　J-GLOBAL(文献)　J-GLOBAL(科学技術用語)　J-GLOBAL(化学物質)　J-GLOBAL(資料)　J-GLOBAL(同義語)

表示形式　◉項目表示　○イメージ表示　○PDF表示

表示種別　◉全頁　○第1頁　○クレーム頁　○図面頁

検索結果 **125**件

項番	出願番号	文献番号	出願日 公知日 登録日	発明の名称	出願人	FI
1	特願2017-139772	特開2017-210477	2017/07/19 2017/11/30 -	フィプロニルおよびペルメトリンを含む局所組成物ならびに使用方法	メリアル　インコーポレイテッド	A61K31/415 A61K9/08 A61K47/44 他
2	特願2018-510095	特表2018-528198	2016/08/19 2017/03/02 -	ハロキナバクチン誘導体	ザ　リージェンツ　オブ　ザ　ユニバーシティ　オブ　カリフォルニア　他	C07D215/38 A01G7/06@A A01C1/00@B 他
3	特願2017-508735	特表2017-513534	2015/08/31 2016/10/06 -	植物成長制御システム、方法、プログラム及び記録媒体	シャオミ・インコーポレイテッド	A01G7/00,601@A A01G7/00,603
4	特願2016-112820	特開2016-165304	2016/06/06 2016/09/15 2018/04/06	植物成長制御用円偏光照明装置及び植物の成長制御方法	富士フイルム株式会社	A01G7/00,601@B A01G7/00,601@A A01G7/00,601@C
5	特願2017-558792	特表2018-503694	2016/02/03 2016/08/11 -	高効力活性薬剤の封入	エーデン　リサーチ　ピー　エルシー	A01N25/28 A01P3/00 A01P7/02

検索の手順

- 特許・実用新案から
- 検索項目を指定し、キーワードを入れる。
- 複数指定し、検索内容を絞り込む。
- ヒット件数が適当な数になったら、一覧表示をする。
- 関心のある特許を選択し、閲覧する。
- 詳しく知るには、特許の申請・審査・登録の仕組みを知る必要がある。